

VIRUS A DE LA GRIPE AVIAR (Orthomyxovirus)

La estructura del virus influenza A es esférica, de un tamaño de unos 120 nm. En su envoltura destacan dos glucoproteínas, la hemaglutinina y la neurominidasa, que se utilizan para clasificarlos (H de 1 a 15 y N de 1 a 9). La primera tiene función de adherencia y genera la respuesta de anticuerpos. La segunda es de actividad enzimática. Tienen entre 8 y 11 segmentos, lo que aumenta la facilidad para recombinarse y alterar su virulencia. Las diferencias de los distintos subtipos radica en las glucoproteínas y las diferentes variedades se deben a las mutaciones y reordenaciones de sus segmentos, con la posibilidad de que adquieran segmentos de otras variedades cuando ambas se encuentran en el interior de células infectadas por variedades de distintas especies.

El virus de la "Gripe española" es de la variedad H1N1, pero nada tiene que ver con el actual H1N1 (New Caledonia) que se utiliza en la vacuna humana de esta temporada 2005-2006.

Esta son las variedades utilizadas en la vacuna de la gripe humana de este año.

- [Influenza A virus \(A/New Caledonia/20/99\(H1N1\)\)](#)
- [Influenza A virus \(A/California/10/97\(H3N2\)\)](#)
- [Influenza A virus \(A/Shanghai/9/95\(H3N2\)\)](#)

Las variedades se denominan por:

El Lugar de origen

El número de cepa

El año de aislamiento

El Subtipo según la estructura de sus glucoproteínas H/N

Las aves acuáticas, los cerdos y los hombres, son reservorios naturales de estos virus.

El virus de la llamada "gripe española" no existía, ni se conocía su variedad hasta este año, en el que después de 10 años de investigaciones, han conseguido reconstruirlo, partiendo de tejidos congelados procedentes de Alaska (Centro de Enfermedades de Atlanta, Hospital Mount Sinai, Dep. de Agricultura y Dep. de Patología de las Fuerzas Armadas de EEUU),(Dr. Jeffrey K. Taubenberger, con quien ha colaborado Adolfo García Sastre). A principios de Octubre de 2005 se hacía pública la "resurrección" del virus de 1918, siendo su variedad la H1N1. Tiene muchas similitudes con el virus aviar, pero

también tiene diferencias, lo que induce a creer que su patogenicidad se acentuó después de su paso por la especie porcina.

También se sabe que investigadores de la Universidad de Wisconsin, han manipulado genéticamente el virus de la gripe común, añadiéndole dos genes del virus de la gripe española, de forma que tan solo con la adición de uno de los genes lo convertían en un agente de virulencia letal.

Está claro que todas estas investigaciones van encaminadas a la búsqueda de vacunas efectivas para prevenir una pandemia de gripe humana, y también está claro que las condiciones higiénicas del mundo desarrollado no son las mismas que las de 1918.

¿En qué contexto se ha movido la alerta del virus de la gripe aviar y la amenaza de pandemia humana?

¿Es, como anuncian responsables de la revista "Nature", que la arriesgada resurrección del virus de 1918 y los trabajos de ingeniería genética posteriores, puede llevar a la creación de un arma biológica de temibles consecuencias?.

Esperemos que no sea el caso y que no haya fugas en los laboratorios, de nivel 4, de Winnipeg, y que se disponga de suficientes dosis de vacunas efectivas para este virus mutado en dicho laboratorio de Canadá.

José Carlos Sorribas Forcada